

ANÁLISE DA VARIABILIDADE GENÉTICA INTRA E INTERPOPULACIONAL EM *Cunila incisa* Benth. BASEADO EM MARCADORES MOLECULARES RAPD.

Tanara da Silva Ribeiro¹, Gustavo Agostini², Sergio Echeverrigaray³, Laboratório de Biotecnologia Vegetal e Microbiologia Aplicada, IB, UCS.

Cunila incisa Benth pertence a família Lamiaceae, sendo uma espécie sul-americana dentre as 22 que compõem o gênero *Cunila*. Esta espécie é uma das duas representantes da seção *Incisa*. Devido ao seu potencial aromático e medicinal, esta espécie, como outras do gênero, são comuns na medicina popular. *C. incisa* é descrita como uma planta arbustiva, muito aromática, com flores reunidas em simulas curto-pedunculadas, sendo pequenas e alvas. Esta espécie é encontrada em locais secos como barrancos e beiras de estradas, sendo nativa do RS. *Bordignon et al.*, identificaram a existência do composto majoritário 1,8-cineol em seu óleo, o qual possui atividade antibronquítica, antisséptica entre outras, sendo, esta espécie, utilizada para o tratamento de várias afecções respiratórias. Marcadores moleculares têm sido utilizados com sucesso em estudos de plantas aromáticas e medicinais, principalmente na determinação de diversidade genética, caracterização de quimiotipos entre outros. Neste estudo cinco amostras de três populações foram analisadas por meio de marcadores RAPD, sendo elas oriundas de Veranópolis, Bom Jesus e Cotiporã. O DNA foi extraído utilizando o método CTAB proposto por Doyle & Doyle (1987), com algumas alterações, as amplificações foram realizadas utilizando termociclador MJ Research PTC100 e as eletroforeses conduzidas em gel 1,5% corado com brometo de etídio e visualizado sobre luz UV. Foram utilizados um total de oito *primers* dos kits *OPA* e *OPC*. Os resultados mostraram baixa variabilidade nesta espécie, corroborando dados prévios de variabilidade química. Por outro lado, as distâncias genéticas calculadas pelo coeficiente de Jaccard mostraram que a média das distâncias intrapopulacionais são menores que as médias das distâncias interpopulacionais, mostrando populações geneticamente estruturadas. O dendrograma criado a partir das distâncias permitiu a separação das três populações. A população de Bom Jesus mostrou-se mais distante das outras populações, sugerindo troca gênica entre populações geograficamente próximas.

Palavras-chave: *Cunila incisa*, Variabilidade genética, RAPD

- 1) Bolsista FAPERGS
- 2) Colaborador
- 3) Orientador