

ESTUDO EVOLUTIVO DE ESPÉCIES BRASILEIRAS DO GÊNERO AMAZONAS

Luis Paulo Rodrigues Barro (bolsista), Sergio Echeverrigaray (orientador), Jucimar Zacaria (BIC-FAPERGS), Márcia Dosciatti de Oliveira, Fernando Fracaro (pesquisadores) - Depto. de Ciências Biológicas/Centro de Ciências Biológicas e da Saúde/UCS - setental@yahoo.com.br

A fauna brasileira se caracteriza por apresentar uma grande diversidade de espécies de aves. Entre estas, destacam-se os loros, araras e os papagaios de distintas espécies que ocupam áreas tropicais e subtropicais do país. Os papagaios pertencentes à família Psittacidae, e ao gênero *Amazona*, são aves neotropicais do Caribe, América Central e América do Sul. No Brasil este gênero está representado pelas espécies, *A. aestiva*, *A. amazonica*, *A. brasiliensis*, *A. farinosa*, *A. festiva*, *A. ochrocephala*, *A. pretrei*, *A. rhodocorytha*, *A. vinacea*, *A. Xanthops*, *A. Dufresniana*, *A. autumnalis* e *A. albifrons*, muitas das quais encontram-se na lista das espécies ameaçadas de extinção. A limitação nos dados referentes à biologia, reprodução, distribuição e variabilidade genética destas espécies, tem restringido ações no sentido de conservação in situ e ex situ das mesmas. O objetivo deste projeto é estimar a variabilidade genética através de marcadores moleculares RAPD e ISSR em representantes das distintas espécies do gênero *Amazona* de ocorrência no Brasil buscando estabelecer relações filogenéticas entre as mesmas. Para tanto, DNA de dois a três exemplares masculinos de cada espécie foi extraído a partir do eixo das penas (calamo + raquis). Diferentes métodos de extração de DNA foram testados, sendo que o protocolo contendo o tampão de extração com 10mM de Tris-HCl, 50mM de NaCl e 10mM EDTA apresentou os melhores resultados permitindo a seleção de primers tanto de ISSR quanto de RAPD. A análise preliminar através de ISSR e RAPD de oito espécies brasileiras do gênero *Amazona* mostrou que tais métodos permitem a identificação inequívoca de todas as espécies através da presença de múltiplos segmentos espécie-específicos. A análise conjunta dos dados permitiu o cálculo de distâncias de Jaccard e a construção de dendrograma que reflete as relações filogenéticas entre as espécies estudadas. Trabalhos posteriores incluirão as espécies ainda não testadas ampliando assim o estudo.

Palavras-chave: *Amazona*, Marcadores Moleculares, Variabilidade Genética

Apoio: UCS